

RFL

#2

RENCONTRES FRANCOPHONES LÉGUMINEUSES

Pour la terre et les hommes,
les légumineuses au coeur de l'innovation

17 & 18 octobre 2018

Centre de congrès

Pierre-Paul Riquet – TOULOUSE

Livre des Résumés

Un évènement organisé par



LIVRE DES RÉSUMÉS

255.

Développement des populations multi-parentales RILs de niébé pour l'analyse des bases génétiques de traits d'intérêt agronomiques et la création de variétés adaptées aux contextes locaux.

Moussa Tchoffo, Rahilatou (1); Abdou, Souleymane (3); Saidou, Abdoul-Aziz (1,2)

1: Université Dan Dicko Dankoulodo de Maradi, venue Maman Koraou Maradi, Niger; 2: CIRAD, UMR AGAP, F-34398 Montpellier, France. AGAP, Univ Montpellier, CIRAD, INRA, Montpellier; 3: INRAN, Niamey, Niger

Le niébé, *Vigna unguiculata* (L.) Walp., est la principale légumineuse cultivée au Niger non seulement pour ses graines pour l'alimentation humaine mais aussi pour le fourrage. Cependant, cette culture fait face à des nombreuses contraintes parmi lesquelles figurent les plantes parasites, en particulier *Striga gesnerioides* qui provoque des pertes de rendement très élevés en zone sahélienne. L'objectif de notre étude est de développer des lignées recombinantes de niébé pour développer de nouvelles variétés à double usage, résistantes au *Striga gesnerioides* et répondant à la fois aux besoins des agriculteurs et à leurs préférences. Pour cela, des croisements multi-parentaux ont été réalisés entre 18 variétés provenant des institutions de recherche agronomiques (IITA, Nigeria ; IAR Ahmad Bello University, Nigeria ; INERA, Burkina Faso ; INRAN, Niger et Université de Maradi, Niger) et 5 variétés locales retenues sur la base de la préférence des producteurs et leur large distribution. Les populations résultantes ont été avancées en utilisant la méthode de Single Seed Descent (SSD) . Nous présenterons le processus de construction de ces populations par une démarche participative ainsi que les résultats disponibles actuellement (génération F3). Nous présenterons également nos perspectives de sélection participative qui commencera dans les générations plus avancées ainsi que les perspectives d'utilisation de ces RILs pour l'étude des bases génétiques des caractères d'intérêts agronomiques et les réponses à la sélection combinée (phénotypique et marqueurs) en conditions multi-locales.